

Sequence	Position	Score
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	120 0	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	240 75	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	360 195	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	480 304	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	599 405	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	719 508	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	839 594	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	955 707	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	1075 804	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	1192 910	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	1303 1025	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	1423 1139	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	1543 1259	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	1663 1379	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	1783 1490	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	1903 1495	
<i>D. labrax</i> X1 <i>D. labrax</i> X2	1969 1495	

B

<i>D. labrax</i> X1	MEESKWT S IF Q MKAKNLK Q GDSWSLEF DD SLVPKRPNPCWKL C IGSTSARF S CTKCGRGW	60
<i>D. labrax</i> X2	--MEWTSIF Q MKAESLK Q GDSWRLEF DD SLVPDCPNPGWE Q YIRNTGARFKCTMCGRGW	57
	:*****:***** *****. *** *: * .*.***.** *****	
<i>D. labrax</i> X1	PSVRVKVVFHMRLLHGHGTVKVKPLG Q QCKTCEGAPMEKPSVTSRNIDTLLDNLVEKIRI	120
<i>D. labrax</i> X2	PSNRVMVVFHMRLSNG Q GIVKVRFR Q NCKMCTEAPMEMPEIDSENINILLENLVEKIRI	117
	** ** ***** :*: * ***: : *:** * **** *. : *.** : **:*****	
<i>D. labrax</i> X1	KCYHEDLVRRNKPFISHD V SRPHEPAHCEACT Q GICTRR 159	
<i>D. labrax</i> X2	KCYHEDLGRGNRPFVNLEVKSPHEPAHCEACK Q GICARS 156	
	***** * *:***:.. :*. *****.****.*	